H5N1 亚型禽流感病毒 NA 基因在 Sf9 昆虫细胞中的表达

张晓东¹, 陶玲², 王汉中², 格日勒图¹

(1 内蒙古农业大学 动物科学与医学学院, 内蒙古 呼和浩特 010018; 2 中国科学院武汉病毒研究所 人畜共患病实验室, 湖北 武汉 430071)

【摘要】【目的】在 Sf9 昆虫细胞中表达 H5N1 亚型禽流感病毒(Avian influenza virus, AIV)神经氨酸酶(NA)基因。【方法】用 PCR 方法克隆 H5N1 亚型 AIV NA 基因, 定点插入到转移载体 pFastBacHTb 中, 构建重组转移载体 pFastBacHTb-NA。将其转化到含有 AcBacmid 和 helper 质粒的 *E. coli* DH10B 感受态细胞中, 与 AcBacmid 重组, 获得 rAcBacmid-NA。提取重组的 Bacmid, 转染处于对数生长期的昆虫 Sf9 细胞, 获得重组杆状病毒 vAc-NA。将 vAc-NA 重新感染处于对数生长期的昆虫 Sf9 细胞, 3~5 d 后收集被感染细胞。取转染细胞、感染细胞、破碎感染细胞上清和破碎感染细胞沉淀进行 SDS-PAGE 和 Western-blotting 分析。【结果】通过 PCR 成功地克隆了 1 352 bp 的 H5N1 亚型 AIV 不含信号肽序列的 NA 基因; pFastBacHTb-NA 和 rAcBacmid-NA 构建成功。AIV NA 基因在昆虫 Sf9 细胞内得到有效表达, 表达产物分子质量约为 52 ku, 且具有免疫原性。【结论】H5N1 亚型 AIV NA 基因在昆虫 Sf9 细胞中表达成功。

【关键词】 H5N1 亚型禽流感病毒; 神经氨酸酶; 杆状病毒载体; 真核表达

【中图分类号】 S852.65⁺9.5

【文献标识码】 A

【文章编号】 1671-9387(2009)07-0028-05

Expression of influenza virus subtype H5N1 neuraminidase gene in Sf9 insect cells

ZHANG Xiao-dong¹, TAO Ling², WANG Han-zhong², GER Le-tu

(1. College of Animal Science and Veterinary Medicine, Inner Mongolia Agricultural University, Hohhot, Inner Mongolia 010018, China; 2. Wuhan Institute of Virology, Chinese Academy of Science, Wuhan, Hubei 430071, China)

Abstract: 【Objective】The research studied influenza virus subtype H5N1 neuraminidase (NA) gene expressed in Sf9 insect cells. 【Method】NA, the neuraminidase (NA) gene of H5N1 subtype avian influenza virus (AIV), was successfully amplified by polymerase chain reaction (PCR). The gene was inserted into plasmid pFastBacHTb to obtain recombinant transfer vector pFastBacHTb-H5N1-NA. pFastBacHTb-H5N1-NA was transformed into DH10B cells carrying both AcBacmid and helper plasmid. Recombinant bacmid rAcBacmid-H5N1-NA with the insertion of NA gene was obtained by specific transposition between pFastBacHTb-H5N1-NA and AcMNPV bacmid. Recombinant virus vAc-H5N1-NA was obtained by transfecting rAcBacmid-H5N1-NA into Sf9 insect cells. Supernatant containing vAc-H5N1-NA was collected and Sf9 cells were infected by vAc-H5N1-NA. Cells collected 3—5 days after transfection and infection were broken by the sonicator. Then the supernatant and the sediment were detected by SDS-PAGE and Western-blotting. 【Result】NA, the neuraminidase (NA) gene of H5N1 subtype avian influenza virus

* [收稿日期] 2008-10-17

[作者简介] 张晓东(1982—), 男, 陕西岐山人, 在读硕士, 主要从事兽医微生物与免疫学研究。E-mail: zxd_welcome@163.com

[通信作者] 格日勒图(1972—), 男, 内蒙古呼和浩特人, 副教授, 博士, 主要从事兽医微生物与免疫学研究。

E-mail: geriletunjan@yahoo.com.cn

(AIV), was successfully amplified by PCR, which was 1 352 bp. Recombinant transfer vector pFast-BacHTb-H5N1-NA was reconstructed and recombinant rAcBacmid-NA was obtained. NA protein NA was highly expressed in Sf9 insect cells with the approximate molecular weight 52 ku, and with immunogenicity. 【Conclusion】 Influenza virus subtype H5N1 neuraminidase gene (NA) was expressed in Sf9 insect cells successfully.

Key words: H5N1 subtype avian influenza virus; neuraminidase; baculovirus vector; eukaryotic expression

禽流感 (Avian influenza, AI) 是由禽流感病毒 (Avian influenza virus, AIV) 引起的一种高度接触性传染病, 1878 年 AI 首次发生于意大利, 现已几乎遍布全世界^[1], 尤其是近几年暴发的 H5N1 亚型高致病性禽流感 (Highly pathogenic avian influenza, HPAI), 不仅引起禽类大面积发病和死亡, 也对人类健康构成了威胁^[2]。

AIV 在一定选择压力作用下变异迅速, 并造成不同血清型毒株间缺乏交叉保护性^[3]。目前, AIV 存在 16 个血凝素 (HA) 亚型和 9 个神经氨酸酶 (NA) 亚型。HA 和 NA 是 AIV 的 2 种表面蛋白, 其中 NA 是病毒囊膜纤突成员之一, 属 II 类糖蛋白, 以同源 4 聚体的形式存在, 变异较活跃, 具有亚型特异性; NA 的作用是水解细胞表面的特异性糖蛋白末端的 N-乙酰基神经氨酸, 避免病毒粒子的聚集, 以利于病毒释放, 对病毒在感染细胞周围的扩散能力有很大影响^[4]。研究证实, NA 活性正常是 AIV 生长必不可少的条件, NA 活性部位的任何畸变都会使其活性降低。通过阻断 NA 可使 AIV 颗粒聚集在一起, 黏着于细胞表面而不能感染其他细胞。NA 的活性可被特异性的抑制物或抗体所抑制, 导致 AIV 丧失吸附、融合、复制装配和出芽等能力, 根据这一特点, 国内外研究出许多抗流感药物。在未来的流感治疗中, AIV NA 抑制剂将占主要地位。关于 AIV NA 抑制剂潜在的抗药性还需进一步研究^[5]。

本研究对 1 株猪源高致病性 AIV 毒株 NA 基因片段进行了克隆, 构建了能够表达 H5N1 亚型 AIV NA 基因的重组杆状病毒载体, 并将其在昆虫 Sf9 细胞中进行表达, 以期为进一步研究高致病性禽流感毒株 NA 蛋白的功能, 以及新型流感疫苗的研制奠定基础。

1 材料与amp;方法

1.1 菌种及细胞

含有猪源高致病性 AIV NA 基因的 pGEM-T-NA 重组质粒, 由中国科学院武汉病毒研究所李天

究研究员构建; 杆状病毒转移载体 (pFastBacHTb)、*E. coli* DH5 α 和 DH10B 菌种及昆虫 Sf9 细胞均由中国科学院武汉病毒研究所人畜共患病实验室保存。

1.2 试剂

KOD-Plus 高保真 *Taq* 酶为日本 TOYOBO 公司产品; 限制性内切酶购自 Taraka 公司; 质粒提取试剂盒和 DNA 胶回收试剂盒购自美国 Omega 公司; Cellfectin 转染试剂、Grace 培养基、胎牛血清 (FCS) 购自美国 Invitrogen 公司; AP 标记山羊抗小鼠 IgG 购自美国 Merk 公司。抗 NA 高免血清, 由中国科学院武汉病毒研究所人畜共患病实验室制备并保存。

1.3 引物设计与合成

参考 GenBank 上公开发表的 NA 基因序列 (GenBank 登录号: ABK00127), 设计 1 对特异性引物, 上游引物 NA-F: 5'-GGCGAATTCCCACCATGATATGGGTTAGTCATTCAA-3' (下划线部分为 *EcoR* I 酶切位点); 下游引物 NA-R: 5'-GAAGCGGCCCGCCTACTTGTCAATGGTGAATGGCAA-3' (下划线部分为 *Not* I 酶切位点)。引物由 Invitrogen 公司合成。参考 Invitrogen 公司的 Bac-to-Bac 杆状病毒表达系统说明, 设计 Bacmid 上、下游引物, 上游引物 M13-F: 5'-CCCAGTCACGACGTTGTAAAACG-3'; 下游引物 M13-R: 5'-AGCGGATAACAATTTTCACACAGG-3'。

1.4 重组杆状病毒转移载体的构建

1.4.1 AIV NA 基因的 PCR 扩增 以 pGEM-T-NA 质粒为模板, 扩增不含信号肽序列的 NA 基因, PCR 反应体系为: 去离子水 35 μ L, 10 $\times$ KOD buffer 5 μ L, 2 nmol/L dNTP 4 μ L, MgSO $_4$ 2 μ L, 上、下游引物各 1 μ L, KOD-puls 1 μ L, 模板 pGEM-T easy-NA 质粒 1 μ L。PCR 反应程序为: 95 $^{\circ}$ C 5 min; 95 $^{\circ}$ C 30 s, 53 $^{\circ}$ C 30 s, 68 $^{\circ}$ C 1 min, 重复 30 个循环; 68 $^{\circ}$ C 10 min, 4 $^{\circ}$ C 保温 10 min。取 PCR 产物, 用 100 g/L 琼脂糖凝胶电泳, 回收目的片段。对回收

的目的片段进行 PCR 反应,在其末端加上腺嘌呤核苷酸,与 pGEM-T Easy-vector 连接,转化 DH5 α 感受态细胞,经蓝白斑筛选,挑取多个白斑,提取质粒。将提取的质粒用 *EcoR* I 和 *Not* I 双酶切后,进行琼脂糖凝胶电泳鉴定,选取酶切结果与预期结果一致的目的片段,送交 Invitrogen 公司测序。

1.4.2 pFastBacHTb-NA 的构建 经过测序确认,在完整阅读框中无突变位点,该重组质粒命名为 pGEM-T-NA。取 pGEM-T-NA,用 *EcoR* I 和 *Not* I 双酶切,获得的目的片段插入经同样酶切处理的 pFastBacHTb 载体中,构建重杆状病毒转移载体 pFastBacHTb-NA^[6-7],并进行 *EcoR* I 和 *Not* I 双酶切鉴定。按照 Invitrogen 公司的 Bac-to-Bac 杆状病毒表达系统说明,将双酶切鉴定正确的 pFastBacHTb-NA 转化到含有 AcBacmid 和 helper 质粒的 DH10B 感受态细胞中。转化的 DH10B 细胞经 X-gal、IPTG 筛选后,挑取单克隆,提取 Bacmid,用 NA 基因的上游引物 NA-F 和 Bacmid 的下游引物 M13-R 进行 PCR 鉴定,阳性 Bacmid 命名为重组 rAcBacmid-NA^[8]。

1.5 重组病毒 vAc-NA 的构建

按照 Invitrogen 公司转染试剂盒说明,将鉴定为阳性的 rAcBacmid-NA 转染处于对数生长期的昆虫 Sf9 细胞。5 d 后出现明显细胞病变时,收集上清液作为第 1 代重组病毒(vAc-NA 1G),同时收取转染细胞保存备用。将第 1 代病毒以低感染复数(100 μ L 稀释至 3 mL)传代,感染处于对数生长期的 Sf9 细胞,3 d 后出现明显细胞病变时,收集上清液作为第 2 代重组病毒(vAc-NA 2G),同时收集感染细胞备用^[9-10]。

图 1 AIV NA 基因的 PCR 扩增结果

M. DL3000 DNA Marker; 1. AIV NA 基因 PCR 产物

Fig. 1 AIV NA Gene by PCR

M. DL3000 DNA Marker; 1. AIV NA by PCR

1.6 rbv-NA 融合蛋白的 SDS-PAGE 分析与 Western-blotting 检测

1.6.1 SDS-PAGE 分析 将 1.5 节所收集的转染细胞和感染细胞用 PBS 洗涤 3 次后,用适量 PBS 重悬。感染细胞经超声波破碎后,4 $^{\circ}$ C、12 000 g 离心 10 min,分别收集上清液和沉淀,将沉淀重悬于 PBS 中回复原体积^[11-12]。分别取 20 μ L 转染细胞、感染细胞、破碎感染细胞上清和破碎感染细胞沉淀以及对照样品(正常培养的 Sf9 细胞),进行 10 g/L SDS-PAGE 电泳,记录结果并进行分析。

1.6.2 Western-blotting 检测 取上述样品,经过 SDS-PAGE 凝胶电泳后,用半干转印膜的方法将凝胶上的蛋白质样品转移至硝酸纤维膜上,将膜取下在含 5 g/L BSA 的 TBS(pH7.2)中室温封闭 1 h,用 TBS 洗膜 1 次,与第 1 抗体(抗 NA 抗体 Mouse anti-N1)于 37 $^{\circ}$ C 下作用 1 h,用 TBS 洗膜 3 次;再与第 2 抗体(AP 标记的羊抗鼠 IgG)于 37 $^{\circ}$ C 下作用 1 h,用 TBS 洗膜 3 次,然后进行显色并记录结果。

2 结果与分析

2.1 AIV NA 基因的 PCR 扩增

从质粒 pGEM-T-NA 中用 PCR 方法扩增获得了 NA 目的基因(不含信号肽序列),长度为 1 352 bp(图 1)。

2.2 重组杆状病毒转移载体 pFastBacHTb-NA 的构建

pFastBac1-NA 经 *EcoR* I 和 *Not* I 双酶切,获得了 4 821 和 1 332 bp 的片段;经 *Bam*H I 酶切,获得了 5 101 和 1 052 bp 片段;经 *Xho* I 酶切,获得了 5 225 和 928 bp 的片段(图 2)。

图 2 pFastBacHTb-NA 的酶切鉴定

1. *EcoR* I 和 *Not* I 双酶切产物; 2. *Bam*H I 酶切产物;

3. *Xho* I 酶切产物; M. λ EcoT14 DNA Marker

Fig. 2 pFastBacHTb-NA digest by different enzymes

1. *EcoR* I + *Not* I digest ; 2. *Bam*H I digest ;

3. *Xho* I digest; M. λ EcoT14 DNA Marker

图 3 重组子 rAcBacmid-NA 的 PCR 鉴定结果

M, DL3000 Marker; 1, AcBac 阴性对照; 2~4, 不同克隆提取的 rAcBacHTb-NA

Fig. 3 PCR detection of different clones of rAcBacmid-NA

M, DL3000 Marker; 1, Negative control; 2-4, Different clones of AcBacHTb-NA

图 4 rbv-NA 融合蛋白的 SDS-PAGE 分析

1. 感染 rAcBacHTb-NA 的 Sf9 细胞破碎沉淀; 2. rAcBacHTb-NA 感染的 Sf9 细胞破碎上清; 3. 转染 rAcBacHTb-NA 的 Sf9 细胞; 4. 感染 rAcBacHTb-NA 的 Sf9 细胞; 5. 空载体 rAcBacHTb 感染的 Sf9 细胞; 6. Sf9 细胞阴性对照; M. 蛋白 Marker SM# 0441

Fig. 4 SDS-PAGE analysis of rbv-NA fusion protein

1. Hepellets of Sf9 infected by rAcBacHTb-NA; 2. The supernatant of Sf9 infected by rAcBacHTb-NA; 3. Sf9 infected by rAcBacHTb-NA; 4. Sf9 transfected with rAcBacHTb-NA; 5. Sf9 infected by rAcBacHTb; 6. Sf9 Negative control; M, protein prestained marker SM# 0441

3 讨论

有研究表明,水禽感染 AIV 后不表现任何症状,是 AIV 的天然储存库;猪可作为 AIV 和其他 A 型流感病毒的“中间宿主”,成为新型流感病毒亚型产生和传播的重要媒介^[13]。本试验成功克隆了 1 株猪源 AIV 的 NA 基因,将获得的 NA 基因插入到杆状病毒转移载体 pFastBacHTb 中,获得重组转移载体 pFastBacHTb-NA,通过转座作用成功构建了重组转座子 rAcBacmid-NA,并对 rbv-NA 融合蛋白

2.3 重组子 rAcBacmid-NA 的 PCR 鉴定

对重组子 rAcBacmid-NA 进行 PCR 鉴定,产物长度为 1.94 kb(图 3),与预期结果一致,表明重组子 rAcBacmid-NA 构建成功。

2.4 rbv-NA 融合蛋白的 SDS-PAGE 分析

H5N1 亚型禽流感病毒 NA 基因 rbv-NA 融合蛋白经 SDS-PAGE 电泳分析,其分子质量为 52 ku(图 4),与理论值相符,表明 H5N1 亚型禽流感病毒 NA 基因已在昆虫 Sf9 细胞中获得成功表达。

2.5 rbv-NA 融合蛋白的 Western-blotting 检测

免疫印迹反应结果发现,3,4,6 泳道均在分子质量为 52 ku 处出现了特异性反应条带(图 5),而 1,2,5 泳道在相应位置处均未出现特异性条带。表明 H5N1 亚型禽流感病毒 NA 基因在杆状病毒中表达成功,且表达产物具有免疫原性。

图 5 rbv-NA 融合蛋白的 Western-blotting 检测

1. Sf9 细胞阴性对照; 2. 感染空载体 rAcBacHTb 的 Sf9 细胞; 3. 转染 rAcBacHTb-NA 的 Sf9 细胞; 4. 感染 rAcBacHTb-NA 的 Sf9 细胞; 5. 感染 rAcBacHTb-NA 的 Sf9 细胞破碎上清液; 6. 感染 rAcBacHTb-NA 的 Sf9 细胞破碎沉淀; M. 蛋白质 Marker SM# 0441

Fig. 5 Western-blotting detection of rbv-NA fusion protein

1. Sf9 Negative control; 2. Sf9 infected by rAcBacHTb; 3. Sf9 transfected with rAcBacHTb-NA; 4. Sf9 infected by rAcBacHTb-NA; 5. The supernatants of sf9 infected by rAcBacHTb-NA; 6. The sediments of sf9 infected by rAcBacHTb-NA; M, Protein prestained marker SM# 0441

进行 SDS-PAGE 分析和 Western-blotting 检测。

昆虫细胞/杆状病毒系统已经成为真核外源基因表达的最常用工具之一,因为杆状病毒表达系统有以下方面的优点^[14-15]:(1)杆状病毒表达系统的启动子是多角体启动子,在病毒感染后期有很强的启动外源蛋白表达能力;(2)杆状病毒表达系统具有蛋白质修饰功能,从而保证了外源蛋白质的生物活性;(3)杆状病毒是无脊椎动物病毒,对人、畜无害;(4)可以表达多价蛋白。本试验通过昆虫细胞/杆状病毒表达系统,将 1 株猪源 H5N1 亚型 AIV NA

基因在昆虫 Sf9 细胞中成功表达。

在本试验中,rbv-NA 融合蛋白的 SDS-PAGE 分析结果显示,1,3 和 4 泳道在 52 ku 处出现了条带,表明 H5N1 亚型禽流感病毒 NA 基因已在昆虫 Sf9 细胞中获得成功表达。rbv-NA 融合蛋白的 Western-blotting 检测结果显示,3,4 和 6 泳道在 52 ku 处出现了特异性条带,而对照组 1,2 和 5 泳道在该处均未出现特异性条带,表明 rbv-NA 融合蛋白具有免疫原性。本试验中,感染 Sf9 细胞破碎上清液中未检测到特异性条带,这可能是由于禽流感病毒 NA 蛋白属于 II 类糖蛋白(即跨膜蛋白),其疏水性较强^[16],可溶性较差所致,但确切原因有待于进一步研究。本试验实现了 H5N1 亚型禽流感病毒 NA 基因在昆虫细胞/杆状病毒系统中的有效表达,为进一步研究高致病性 AIV 毒株 NA 蛋白的功能奠定了基础。

[参考文献]

- [1] 张晓霖,刘明,刘春国,等. H5N1 亚型禽流感病毒 HA 基因在昆虫细胞中的表达及其生物活性鉴定 [J]. 中国生物工程杂志,2007,27(3):422-426.
- Zhang X J, Liu M, Liu C G, et al. The HA Gene of H5N1 Avian influenza virus expressed in insect cells and its biological activity [J]. China biotechnology, 2007, 27(3): 422-426. (in Chinese)
- [2] 王全英,乔传玲,张洪波,等. H5N1 亚型禽流感病毒 NA 基因在重组禽痘病毒中的表达及其产物的免疫原性 [J]. 中国兽医学, 2007, 37(4): 312-315.
- Wang Q Y, Qiao C L, Zhang H B, et al. Expression of NA gene of H5N1 subtype avian influenza virus in recombinant fowlpox virus and analysis of immunogenicity of its product [J]. Veterinary Science in China, 2007, 37(4): 312-315. (in Chinese)
- [3] Bridges C B, Lim W, Hu-Primmer J, et al. Risk of influenza A (H5N1) infection among poultry workers, Hong Kong [J]. Infect Dis, 2002, 185: 1005-1010.
- [4] 甘孟侯. 禽流感 [M]. 2 版. 北京: 中国农业大学出版社, 2002: 216-217.
- Gan M H. Avian influenza [M]. 2nd ed. Beijing: China Agriculture University Press, 2002: 216-217. (in Chinese)
- [5] 王全英,乔传玲,申之义,等. 禽流感病毒神经氨酸酶的结构及其生物学功能 [J]. 动物医学进展, 2005, 26(12): 40-43.
- Wang Q Y, Qiao C L, Shen Z Y, et al. The structure and biology function of avian influenza virus neuraminidase [J]. Progress in Veterinary Medicine, 2005, 26(12): 40-43. (in Chinese)
- [6] 刘春国,刘明,张云,等. H5N1 亚型禽流感病毒 NS 基因在昆虫细胞中的表达 [J]. 中国生物工程杂志, 2006, 26(6): 40-44.
- Liu C G, Liu M, Zhang Y, et al. The NS gene of H5N1 avian influenza virus(AIV) expressed in insect cells [J]. China Biotechnology, 2006, 26(6): 40-44. (in Chinese)
- [7] 刘波,薛仁宇,曹广力,等. H5N1 亚型禽流感病毒 NS1 基因在大肠杆菌和昆虫细胞中的表达 [J]. 中国人兽共患病学报, 2007, 23(11): 1067-1070.
- Liu B, Xue R Y, Cao G L, et al. Expression of the NS1 gene of H5N1 avian influenza virus in *E. coli* and insect cells [J]. Chinese Journal of Zoonoses, 2007, 23(11): 1067-1070. (in Chinese)
- [8] Yu C H, Yu L L, Wen T J, et al. Dual expression of the HA protein of H5N2 avian influenza virus in a baculovirus system [J]. Journal of Virological Methods, 2006, 135: 43-48.
- [9] 宋建领,张富强,王金萍,等. H5N1 亚型禽流感病毒神经氨酸酶基因的克隆与表达 [J]. 中国病毒学, 2006(21): 43-46.
- Sun J L, Zhang F Q, Wang J P, et al. Cloning and expression of neuraminidase gene of H5N1 subtype avian influenza virus [J]. Virologica Sinica, 2006(21): 43-46. (in Chinese)
- [10] Apisarnthanarak A, Kitphati R, Thongphubeth K, et al. Atypical avian influenza (H5N1) [J]. Emerg Infect Dis, 2004, 10: 1321-1324.
- [11] 黎玉梅,邓国华,熊蕊,等. H5N1 亚型禽流感病毒神经氨酸酶基因的表达及纯化 [J]. 中国兽医科学, 2007, 37(9): 783-786.
- Li Y M, Deng G H, Xiong R, et al. Expression of NA gene of avian influenza virus subtype H5N1 in *Escherichia coli* and purification of the expressed product [J]. Veterinary Science in China, 2007, 37(9): 783-786. (in Chinese)
- [12] Manuel J T C. Stochastic simulation of protein expression in the baculovirus/insect cells system [J]. Computers and Chemical Engineering, 2008, 32: 68-77.
- [13] 刘贵忠,秦刚. H5N1 的结构与致病机制 [J]. 菏泽学院学报, 2006, 28(2): 69-72.
- Liu G Z, Qin G. The Structure of H5N1 and its pathogenic mechanism [J]. Journal of Heze University, 2006, 28(2): 69-72. (in Chinese)
- [14] Tanaka K, Tsuzuki S, Matsumoto H, et al. Expression of Coxsackievirus polyomavirus genes in Sf9 cells [J]. Journal of Insect Physiology, 2003, 49: 433-440.
- [15] Li L, Joshua S, Tauseef R B, et al. Enhanced protein expression in the baculovirus/insect cell system using engineered SUMO fusions [J]. Protein Expression and Purification, 2008, 16: 167-174.
- [16] 王振国,金宁一,郑敏,等. H5N1 亚型禽流感病毒神经氨酸酶基因的克隆及序列分析 [J]. 吉林农业大学学报, 2004, 26(2): 213-216.
- Wang Z G, Jin N Y, Zheng M, et al. Cloning and sequencing of neuraminidase gene of an AIV isolate(H5N1) [J]. Journal of Jilin Agricultural University, 2004, 26(2): 213-216. (in Chinese)